

理学博士志村令郎君の「RNA プロセシングの研究」に対する 授賞審査要旨

理学博士志村令郎君は RNA のプロセシングに依存する形質発現の調節に関する分子生物学的研究を行つた。同君の RNA のプロセシングの分子機構、およびプロセシングによる機能発現の調節に関する発見は極めて重要なものと評価される。

形質発現の過程で遺伝子から転写された RNA は、修飾、切断、スプライシング等のプロセシングを受けて初めて、機能を持つ RNA に成熟する場合が少くない。近年、プロセシングが機能の発現制御に果たす役割が注目されに至つた。志村君は、大腸菌の tRNA (λ -ヌクレオチド RNA または運搬 RNA) 生合成に関する温度感受性変異体を分離し、高温で蓄積する tRNA 前駆体の解析から、染色体上に 7 個の tRNA 遺伝子が連結した構造を取り、この遺伝子から読み取られた tRNA 前駆体が段階的にプロセスされて完成した tRNA が生ずることを明らかにした。特に tRNA の 5' 末端のプロセシングを触媒する酵素 RNase P の形成には、rnpA, rnpB の 2 種の遺伝子が関与していることを発見したばかりでなく、酵素反応に RNA が関与し、rnpB がその RNA 成分の遺伝子であることを証明し、³⁷ ヌクレオチドからなるその RNA の全一次構造を決定した。この発見は、後に、この酵素がタン

パク質と RNA の複合体であるばかりでなく、実は RNA だけでも酵素活性を持つという極めて重要な発見の基礎をつくった。さうに酵素活性を担う RNA メインを明らかにし、プロセシングの逐次的経過などに関する多大の成果を挙げた。これら一連の研究は、最近における RNA 研究の先駆けとなつものである。

志村君はまた、ニワトリの水晶体で特異的に発現する sr-クリスタリン遺伝子のエキソン（17個）とイントロン（16個）の全構造を決定した。エキソンはタンパクに転写される RNA の部分、イントロンは RNA から除かれる部分である。ついで、この遺伝子の in vitro スプライシング系を開発し、mRNA 前駆体の 5'端における cap 構造が最寄りのインtronでのスプライシングを促進することを明らかにした。また最近、スプライシングにおいて U6 snRNA が反応を触媒する可能性があることを示し、また、スプライシング部位の特異性の決定にエキソン RNA が関与することを明らかにした。

最近の特筆すべき成果としては、ショウジョウバエの性の分化に関する研究が挙げられる。いくつかの遺伝子産物 RNA では、発生段階や細胞分化に依存して、異なるイントロンが除かれ、その結果、異なる成熟 RNA がつくられる選択的スプライシングという現象が知られており、発生や細胞分化に重要な役割を果たしていることが知られている。志村君は、ショウジョウバエの体細胞性分化の機構を詳細に検討し、性の分化が逐次的な選択的スプライシングによることを覗いた。すなわち、(1) X染色体と常染色体との比が1のとき Sxl 遺伝子は雌特異的に発現する。これは Sxl RNA から終止コドンを持つ第三エキソンが選択的スプライシングによって除かれ雌特異的なタンパクがつくられるためである。雄ではこのスプライシングは起きず、機能を持つタンパクはつくられない。(2) 次いで、雌特

異的な *Sxl* タンパクは、遺伝子的に下位に位置する tra 遺伝子の産物である tra RNA の第 1 ハキソン前のペプライス部位に結合して、そのペプライシングを阻害し、第一ハキソンを除いたペプライシングを活性化して tra 遺伝子の雌特異的発現を起します。(3) さらに雌型の tra 遺伝子産物は、tra-2 遺伝子産物と共に下位の *dsx* 遺伝子 RNA の ハキソン配列に結合し、雌型のペプライシングを促進し、その結果、雌特異的産物がつくられる。機能を持つ tra 遺伝子の産物をつくれない雄では、これと異なるペプライシングが起き、雄特異的なタンパクができる。これらのことを明らかにした志村君の業績は、選択的ペプライシングの制御機構を分子レベルで解明した最初の例であるといふに、体細胞の性決定機構に関して重要な知見を提供するものである。

このようだ、志村君は常に遺伝現象に密着して、RNA プロセッシングに関する緻密な分子生物学的研究を展開することによって、これまで余り注目されなかつた転写後の調節という研究に早期に着手し、RNA ルールにおける形質発現の諸段階や、その調節・制御について新分野を開拓し、世界的にも高い評価を得てきた。

また、志村君はシロイヌナズナの花芽の発生と分化の遺伝学的研究でも注目すべき成果を挙げた。